

بررسی تنوع مورفولوژیکی و فیزیولوژیکی توده‌های هندوانه (*Citrullus lanatus* Thunb.) بومی ایران

احمد حاجی‌علی^{۱*}- بهمن زاهدی^۲- رضا درویش زاده^۳- جهانگیر عباسی^۴

تاریخ دریافت: ۱۳۹۳/۰۸/۱۱

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۴/۰۳/۱۲

چکیده

به منظور مطالعه تنوع ژنتیکی هندوانه بومی ایران از نظر صفات مورفولوژیکی و فیزیولوژیکی، ۱۶ توده هندوانه بومی ایران به همراه ۲ رقم هندوانه اصلاح شده در قالب طرح بلوك‌های کامل تصادفی در سه تکرار در مرکز تحقیقات کشاورزی ساعتلوی ارومیه در سال ۱۳۹۲ مورد ارزیابی قرار گرفت. تعداد ۱۸ صفت شامل طول کوتیلدون، طول میوه، وزن گوشت میوه، وزن بوست میوه، ضخامت پوست، ضخامت گوشت، عملکرد، طول بدرا، عرض بدرا، وزن صد بدرا، ویتامین ث میوه، pH میوه، مواد جامد محلول، EC میوه، میزان کلروفیل، میزان فتوسنتر و طول گیاه مورد ارزیابی قرار گرفتند. نتایج نشان داد بین توده‌ها برای کل صفات به جزء صفت ضخامت پوست، ضخامت گوشت، pH میوه و طول گیاه اختلاف آماری معنی داری وجود دارد. بیشترین همبستگی فتوسنتر مثبت (۰/۹۶۸) بین دو صفت وزن گوشت و وزن میوه و بیشترین همبستگی فتوسنتر منفی (۰/۸۱۵) بین صفات مواد جامد محلول و طول بدرا مشاهده شد. بیشترین همبستگی ژنتیکی مثبت (۰/۹۸۷) بین دو صفت طول میوه و وزن میوه و بیشترین همبستگی ژنتیکی منفی (۰/۹۹۰) بین صفات ضخامت گوشت و فتوسنتر مشاهده شد. بیشترین توارث پذیری (۰/۹۶) مربوط به وزن صد بدرا و کمترین توارث پذیری (۰/۰۳) مربوط به pH میوه بود. با استفاده از تجزیه‌ی خوشای به روش وارد، توده‌های مورد بررسی در ۳ گروه متفاوت قرار گرفتند.

واژگان کلیدی: اصلاح هندوانه، صفات مورفولوژیک، وراثت‌پذیری عمومی، همبستگی ژنتیکی

نام علمی هندوانه *Citrullus vulgaris schard* می‌باشد (۴); ولی در بعضی از کتاب‌ها آن را *C. lanatus* thumb می‌نامند (۴). جنس *Citroides* دارای گونه‌ی دیگری است به نام *C. Citroides* Preserving melon یا Citron melon می‌گویند (۴). همچنین در بعضی از کتاب‌های سبزیکاری اسم علمی آن را *Citroides lanatus* var. *Citroides* ذکر کرده‌اند (۴). هندوانه را بعضی‌ها بومی هندوستان و بعضی دیگر بومی کشورهای آفریقائی می‌دانند (۱۴). بیشترین تنوع آن در غرب آفریقا، چین و مناطقی از هند دیده می‌شود (۱۸). خاورمیانه و کشورهای نزدیک دریای مدیترانه نیز نواحی مناسبی برای پیدا کردن خویشاوندان و اجاد هندوانه می‌باشد (۱۸). برخی از محققان شمال شرق بزریل را به عنوان یک مرکز تنوع ژنتیک هندوانه ذکر کرده‌اند (۱۹). ساقه‌های هندوانه خزنده، نازک و طویل با مقطع پنج ضلعی مدور و کرکدار نازک است. از ساقه‌ی اصلی ساقه‌های فرعی درجه یک منشعب می‌شوند (۱۴). برگ‌های هندوانه قلبی شکل با بریدگی‌های عمیق و به رنگ سبز خاکستری با دمبرگ طویل و بدون گوشوارک است، پهنهک برگ سه تا پنج لوب که هر یک به لوب‌های کوچکتری تقسیم می‌شوند (۱۴).

مقدمه

ارزیابی تنوع ژنتیکی در گیاهان برای برنامه‌های اصلاحی و حفاظت از ذخایر ژنتیکی از اهمیت زیادی برخوردار است (۵). به صورتی که روش متداول اصلاح گیاهان براساس گزینش ژنتیکی مطلوب از بین جوامع با تنوع ژنتیکی می‌باشد، بنابراین آگاهی از تنوع، اولین گام برای اصلاح گیاهان می‌باشد (۶). از آنجا که برای هر کار تحقیقاتی ابتدا باید تنوع را مشخص کرد لذا بررسی ارقام موجود و تعیین ویژگی‌های آن‌ها از اولین قسم‌های اساسی برای بررسی‌های مربوط به اصلاح آن است (۲۲). و مسلماً لازمه یک کار اصلاحی وجود ژریلاسم غنی و وجود تنوع ژنتیکی است (۱). هندوانه متعلق به تیره *Cucurbitaceae* و جنس *Cucurbita* می‌باشد (۱۴).

۱ و ۲- دانشجوی کارشناسی ارشد و عضو هیأت علمی گروه تولیدات گیاهی، دانشگاه لرستان

(*)-نویسنده مسئول: Email: ahmadhajali@yahoo.com

۳- عضو هیأت علمی گروه اصلاح بناهای، دانشگاه ارومیه

۴- عضو هیأت علمی مرکز تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج

از صفات مورفولوژیک ۱۶ توده از بانک ژن گیاهی و ۲ رقم هندوانه اصلاح شده (جدول ۱) به نامهای کریمی‌سون سویت^۱ و چارلستون گری^۲ تهیه و در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با ۳ تکرار در خرداد ماه سال ۱۳۹۲ در ایستگاه تحقیقات کشاورزی ساعتلوی ارومیه واقع در ۳ کیلومتری شهرستان نوشین شهر استان آذربایجان غربی با موقیت جغرافیایی، عرض "۴۰°۰'۱۸" طول "۰°۹۳'۵۵" و ارتفاع ۱۳۳۸ متراز سطح دریا، مورد مطالعه قرار گرفتند. فاصله پشتنه‌ها از یکدیگر ۲ متر و فاصله هر بوته از یکدیگر ۵۰ سانتی‌متر در نظر گرفته شد. آبیاری بر حسب بافت خاک، فصل رویش وجود بادهای محلی و موسمی متغیر، بعد از هر ۷ یا ۸ روز انجام شد. تمامی مراقبت‌های زراعی در طول دوره رشد گیاهان از قبیل تنک کردن بوتهای اضافی، هدایت بوتهای روسی پشتنه، وجین دستی علف‌های هرز و کوددهی انجام گرفت تا گیاهان برای بررسی صفات مورفولوژیکی از رشد مطلوبی برخوردار باشند. در زمان رسیدن میوه از هر کرت به صورت تصادفی ۴ میوه انتخاب و بر اساس دستورالعمل موسسه بین‌المللی ذخایر تواریثی (IBPGR/IBGRI)، صفات کیفی، درصد مواد جامد (TSS) توسط دستگاه رفراکтомتر، pH توسط دستگاه pH متر، وزن میوه و وزن بذر توسط ترازوی دیجیتالی، طول میوه، عرض میوه و وزن هزار دانه اندازه‌گیری و ثبت گردید. میزان ویتامین ث (میلی‌گرم در ۱۰۰ گرم) با استفاده از روش یدومتری اندازه‌گیری شد. در این روش پنج میلی‌لیتر از نمونه مورد نظر را در اrlen ریخته و مقدار ۲۰ میلی‌لیتر آب مقطر و دو میلی‌لیتر چسب نشاسته اضافه شد. سپس با محلول ید ۰/۰۱ نرمال تا ظهور رنگ تیره آبی پایدار تیر شد. چون هر میلی‌لیتر ید ۰/۰۱ نرمال معادل ۰/۰۸۸ میلی‌گرم اسید آسکوربیک است. بنابراین مقدار ویتامین ث از فرمول زیر محاسبه شد.

$$g = \frac{I_2 \times 0.088 \times 100}{5ml}$$

میزان EC نیز با استفاده از دستگاه JENWAY مدل ۴۳۱۰ اندازه‌گیری شد و برای برای تخمین محتوای ازت (N) در بافت گیاهی از روش کلرووفیل سنجی با استفاده از دستگاه کلرووفیل سنج مدل Minolta SPAD – 502 (Pn) با استفاده از دستگاه HCM-1000 ساخت شرکت آلمان انجام گرفت.

در طول اندازه‌گیری، شدت نور و دمای محفظه‌ی که برگ داخل آن قرار می‌گرفت ثابت و به ترتیب $\mu\text{mol}/\text{m}^2$ و 1500 و $۳۰-۳۳$ درجه سانتی‌گراد بود. سطح برگی که داخل محفظه قرار می‌گرفت ۵ سانتی‌متر مربع بود.

ریشه هندوانه رشد عمیقی دارد و در بعضی از خاک‌ها شاید تا عمق یک متری هم برسد^(۴). هندوانه مانند تمام کدویان جزء گیاهان یک پایه بوده و گل‌های نر و ماده آن به طور جداگانه روی یک بوته قرار دارند. گل‌ها در محور برگ‌ها به صورت انفرادی قرار می‌گیرند^(۱۴). زمان گلدهی در تیره کدوئیان در وهله‌ی اول توسط دما و تأثیر آن بر میزان رشد گیاه تعیین می‌شود. همچنین دما اصلی تعیین کننده‌ی زمان شکوفائی گل و مدت زمان باز بودن تک تک گل‌ها نیز است^(۱۹). در سطح جهانی از نظر تولید چین در مقام اول و پس از آن آمریکا، ایران و جمهوری کره در مقام‌های بعدی قرار گرفته است^(۳). از نظر سطح زیر کشت، ایران حدود ۱۳۱ هزار هکتار را به خود اختصاص داده است که متوسط تولید آن ۲۷ تن در هکتار است^(۱۰). به نظر می‌رسد شناسایی رقم‌های هندوانه و تعیین خلوص ژنتیکی آن‌ها عمدتاً به صفات میوه آن ارتباط دارد^(۲).

انتخاب خصوصیات مطلوب در گیاهان و بهمود آن‌ها برای صفات مورد نظر مستلزم وجود تنوع ژنتیکی کافی در درون جمعیت و یا بین آن‌ها است و از طرفی، استفاده از تنوع ژنتیکی درون یک جمعیت می‌تواند به عنوان راهکاری مناسب برای مقابله با آسیب‌پذیری ژنتیکی در گیاهان به کار رود. بنابراین، حفظ و یا ایجاد تنوع ژنتیکی برای رفاه حال و آینده‌ی انسان ضروری است^(۸). معمولاً تنوع ژنتیکی گیاهان در زمان و مکان تعییر می‌کند. توسعه‌ی تنوع ژنتیکی در گونه‌های گیاهی به تکامل و سیستم اصلاحی گونه، فاکتورهای اکولوژیکی، جغرافیایی و برخی از فاکتورهای انسانی بستگی دارد^(۱۱). تنوع ژنتیکی مقدار تعییرپذیری در میان واریته‌ها و یا گونه‌های DNA، در خصوصیات بیوشیمیایی (در ساختار پروتئین یا خصوصیات ایزوآنزیم‌ها)، در خصوصیات فیزیولوژیکی (مقامات به تنش‌ها یا سرعت رشد) یا در خصوصیات مورفولوژیکی مانند رنگ گل یا شکل گیاهی می‌توانند بیانگر پراکنش ژنتیکی باشند^(۱۳). معمولاً در برنامه‌های اصلاحی کلاسیک شناسایی ارقام بر پایه‌ی خصوصیات مورفولوژیکی برگ، گل و میوه انجام می‌شود. اگرچه، بیشتر ارقام بر پایه‌ی این صفات قابل شناسایی نیستند به ویژه اگر آن‌ها ارتباط نزدیکی با هم داشته باشند. به علاوه شناسایی فوتوبیپی بر پایه‌ی صفات مورفولوژیکی تحت تأثیر تعییرات محیطی قرار می‌گیرد بنابراین لازم است با انجام آزمایشات تکرار دار تعییرات محیطی را کنترل نمود. هدف از این تحقیق شناخت مورفولوژیک و فیزیولوژیکی توده‌های هندوانه برای شناسائی پتانسیل‌های ژنتیکی موجود در آن‌ها جهت گروه بندی و استفاده اصلاح‌گران در دستیابی به ارقام دارای خصوصیات ویژه می‌باشد.

مواد و روش‌ها

به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی هندوانه‌های بومی ایران با استفاده

واریانس فنتیپی، ژنتیکی و محیطی و \bar{X} میانگین کل برای هر صفت می‌باشد. مقدار نسبی این ضرایب نشانگر مقدار تنوع موجود در جمعیت مورد بررسی می‌باشد (۵).

همبستگی‌های ژنتیکی از طریق فرمول زیر محاسبه شدند:

$$r_g = \frac{Cov_{g_{xy}}}{\sqrt{\sigma_{g_x}^2 \sigma_{g_y}^2}}$$

در این فرمول $Cov_{g_{xy}}$ کواریانس ژنتیکی ۲ صفت x و y و

$\sigma_{g_x}^2$ واریانس ژنتیکی صفت x و $\sigma_{g_y}^2$ واریانس ژنتیکی صفت y می‌باشد. کواریانس ژنتیکی ۲ صفت با استفاده از امید ریاضی میانگین حاصلضرب‌ها در جدول تجزیه کواریانس ۲ صفت با استفاده از رابطه زیر محاسبه شد.

$$Cov_{g_{xy}} = \frac{MP_g - MP_e}{r}$$

در روابط بالا، MP_g میانگین حاصلضرب تیمار، MP_e میانگین حاصلضرب اشتباہ، r تعداد تکرار می‌باشد.

اجزای واریانس، وراثت‌پذیری عمومی، ضرایب تنوع فنتیپی، ژنتیکی و محیطی با استفاده از فرمول‌های زیر محاسبه می‌شوند (۵).

واریانس ژنتیکی

$$Vg = \frac{Msg - Mse}{r}$$

واریانس محیطی

$$Ve = Mse$$

واریانس فنتیپی

$$Vp = Vg + Ve$$

وراثت‌پذیری عمومی

$$Hb = \frac{Vg}{Vp}$$

ضریب تغییرات فنتیپی

$$CVp = \frac{\sqrt{Vp}}{x} \times 100$$

ضریب تغییرات ژنتیکی

$$CVg = \frac{\sqrt{Vg}}{x} \times 100$$

ضریب تغییرات محیطی

$$CVE = \frac{\sqrt{Ve}}{x} \times 100$$

سود ژنتیکی

$$GA = K \times Hb \times \sqrt{Vp}$$

در روابط بالا، MSg واریانس یا میانگین مربعات تیمار، MSe واریانس اشتباہ، r تعداد تکرار، V_G و V_E به ترتیب اجزای

جدول ۱- نام و کد رقم‌ها و توده‌های هندوانه مورد مطالعه

Table 1- The name and code of the accessions studied watermelon

شماره Number	کد توده Code Number	محل جمع آوری Gathering location	شماره Number	محل جمع آوری Gathering location	کد توده Code Number
1	چارلستون گری Charleston Gray	خارجی	1	زنجان Zanjan	TN-93-774
2	کریمسون سویت Crimson Sweet	خارجی	2	خراسان Khorasan	TN-93-805
3	TN-93-800	آذربایجان شرقی East Azerbaijan	3	بوشهر Bushehr	TN-93-756
4	TN-93-791	سمنان Semnan	4	کرمانشاه Kermanshah	TN-93-804
5	TN-93-653	آذربایجان شرقی East Azerbaijan	5	همدان Hamadan	TN-93-817
6	TN-93-816	گیلان Gilan	6	کرمان Kerman	TN-93-678
7	TN-93-814	آذربایجان شرقی East Azerbaijan	7	اصفهان Isfahan	TN-93-809
8	TN-93-779	کرمان Kerman	8	هرمزگان Hormozgan	TN-93-758
9	TN-93-808	اصفهان Isfahan	9	خراسان Khorasan	TN-93-806

توجه به نتایج آزمون نرمال با استفاده از روش مدل خطی عمومی (GLM) در نرم افزار SAS انجام گرفت. ارزیابی و گروه بندی توده‌ها با استفاده از روش‌های تجزیه خوش‌های و تجزیه به مولفه‌های اصلی روی میانگین داده‌های اصلی پس از استاندارد کردن داده‌ها به ترتیب

تجزیه داده‌ها

شناسائی داده‌های پرتو در نرم افزار 17 Minitab و آزمون نرمال بودن توزیع اشتباهات آزمایشی و محاسبه آماره‌های توصیفی در نرم افزار 9.2 SAS انجام گرفت. تجزیه واریانس برای تمام صفات با

ایشان بین صفات طول میوه، وزن میوه و ضخامت پوست میوه اختلاف معنی داری مشاهده نشد.

در پژوهشی که توسط مکس کولینگ و همکاران (۱۱) بر روی توده‌های بومی نامیبیا به منظور مقایسه ارقام بومی و تجاری صورت گرفت، بین توده‌های مورد بررسی برای صفات وزن میوه و عملکرد اختلاف معنی داری مشاهده شد. هندوانه‌های بومی در مقایسه با ارقام اصلاحی، دارای اندازه کوچک‌تر، میزان قند کم، دانه‌ی بزرگ و پوست ضخیم بودند. در این آزمایش، بیشترین میزان عملکرد، وزن میوه و وزن هزار دانه در تعداد میوه و عملکرد بود. بیشترین ضخامت پوست ژنتیکی مربوط به تعداد میوه و عملکرد بود. بیشترین ضخامت پوست (۳۶/۲۵ میلی‌متر) مربوط به توده‌ی بومی و کمترین ضخامت پوست (۹/۴۵ میلی‌متر) مربوط به رقم اصلاح شده‌ی کریمسون سویت بود. همچنین بیشترین اندازه برج، در توده‌ی بومی (NAMI 765) مشاهده شد. در پژوهشی که توسط ناروئی راد و همکاران (۱۳) بر روی توده‌های محلی هندوانه سیستان انجام گرفت مشخص شد که بین صفات طول میوه، عرض میوه، ویتامین ث و عملکرد اختلاف معنی داری در سطح احتمال ۵ درصد وجود دارد. در تحقیقی که توسط کیانی و جهانیان (۱۰) جهت بررسی تنوع ژنتیکی توده‌های هندوانه بومی ایران در مشهد صورت گرفت مشخص شد که برای صفات طول میوه، عرض میوه، ضخامت پوست، نسبت وزن گوشت به وزن میوه، نسبت وزن پوست به وزن میوه، وزن بذر، طول بذر، قطر بذر و عرض بذر و عملکرد اختلاف معنی داری بین توده‌ها وجود دارد، در نتیجه این صفات مشخص کننده میزان تنوع در میان توده‌های مورد بررسی می‌باشد.

مقایسه میانگین

بر اساس جدول مقایسه میانگین‌ها (جدول ۴)، بیشترین طول میوه (۳۹ سانتی‌متر)، وزن میوه (۸/۰۳ کیلوگرم)، وزن گوشت (۴/۳ کیلوگرم)، وزن پوست (۳/۳۶ کیلوگرم) و میزان عملکرد (۲۴۹۲۶ کیلوگرم در هکتار) در رقم چارلسون گری مشاهده شد، در حالی که توده‌ی ۸۰۸ اصفهان کمترین طول میوه (۲۳/۶۶ سانتی‌متر)، توده‌ی ۱۶ خراسان کمترین وزن میوه (۳/۳۳ کیلوگرم) و وزن پوست (۱/۸ کیلوگرم) و توده‌های ۸۰۰ آذربایجان شرقی و ۸۱۷ همدان به ترتیب کمترین میزان وزن گوشت میوه (۱/۵ کیلوگرم) و عملکرد (۱۳۴۴۴ کیلوگرم در هکتار) را نشان دادند. بر اساس جدول مقایسه میانگین، بیشترین طول کوتیلدون (۳/۵۳ سانتی‌متر)، طول بذر (۱۹/۴ میلی‌متر) و عرض بذر (۹/۹ میلی‌متر) در توده‌ی ۷۹۱ سمنان و کمترین طول کوتیلدون (۱/۵۶ سانتی‌متر)، طول بذر (۹/۷۶ میلی‌متر)، عرض بذر (۵/۱ میلی‌متر) در ژنوتیپ کریمسون سویت مشاهده شد.

در نرم‌افزار SPSS 22 و Minitab 17 انجام گرفت. همبستگی فوتیبی بین صفات توسط نرم افزار SPSS نسخه‌ی ۲۲ محاسبه شد. محاسبه ضریب کوفتیک توسط نرم افزار NTSYSpc- 2.02 صورت گرفت.

نتایج و بحث

براساس دیسکریپتور هندوانه، نوع پهنه‌ک برج در هندوانه به سه گروه، قوی، متوسط و ضعیف تقسیم‌بندی می‌شود، بر این اساس، ۶۶/۶ درصد از توده‌های مورد بررسی دارای پهنه‌ک برج قوی (۱۲ توده)، ۱۱/۱ درصد دارای پهنه‌ک برج متوسط (۲ توده) و ۲۲/۲۲ درصد دارای پهنه‌ک برج ضعیف (۴ توده) بودند. همچنین بر اساس دیسکریپتور هندوانه، ۹۴/۴ درصد توده‌های مورد بررسی دارای طول برج متوسط (۱۷ توده) و ۵/۵ درصد توده‌ها دارای طول برج کوچک (۱ توده) بودند. از نظر رنگ برج، ۵۵/۵ درصد از توده‌ها دارای رنگ برج سبز مایل به خاکستری (۱۰ توده) و ۲۷/۷ درصد دارای رنگ برج سبز تیره (۵ توده) و ۱۶/۶۴ درصد دارای رنگ سبز متوسط (۳ توده) بودند. از نظر رنگ غالب بذر، ۶۱/۱ درصد دارای رنگ کرمی، ۱۶/۶ درصد دارای رنگ کرمی، ۱۶/۶ درصد دارای رنگ قهوه‌ای و ۵/۵ درصد دارای رنگ قرمز بودند. از نظر رنگ مغلوب بذر، ۵۵/۵ درصد از توده‌ها (۱۰ توده) فاقد رنگ مغلوب بذر، ۵/۵ درصد دارای رنگ مغلوب سیاه، ۱۱/۱ درصد دارای رنگ مغلوب کرمی و ۵/۵ درصد دارای رنگ مغلوب قهوه‌ای بود. از نظر رنگ گوشت میوه، ۶۱/۱ درصد از توده‌ها دارای رنگ گوشت قرمز، ۵/۵ درصد دارای رنگ گوشت زرد، ۵/۵ درصد صورتی و ۲۷/۷ درصد دارای شکل کشیده، ۵۰ درصد گرد، ۲۷/۷ درصد بیضی و ۱۱/۱ درصد دارای شکل بیضی پهنه بودند (جدول ۲).

نتایج جدول تجزیه واریانس (جدول ۳) نشان می‌دهد که بین توده‌ها و ارقام هندوانه مورد بررسی، از نظر صفات طول کوتیلدون، طول میوه، وزن میوه، وزن گوشت، عملکرد، طول بذر، عرض بذر، وزن صد بذر، ویتامین ث، مواد جامد محلول و EC اختلاف آماری معنی داری در سطح ۱ درصد و در مورد صفات وزن پوست، درصد کلروفیل و میزان فتوستنت اختلاف آماری معنی دار در سطح احتمال ۵ درصد وجود دارد. در حالی که بین صفات pH، ضخامت پوست میوه، ضخامت گوشت میوه و طول گیاه در بین توده‌های مورد آزمایش اختلاف معنی داری مشاهده نشد که نشان می‌دهد بین توده‌های مورد بررسی از نظر این صفات تنوعی وجود ندارد.

سازاموسی و همکاران (۲۰) به بررسی خصوصیات مورفولوژیکی توده هندوانه بومی مجارستان و ترکیه اقدام نمودند. در مطالعه

جدول ۲- ویژگی های صفات گیفی ۱۸ توت گاهنوانه

ردی cultivar	ردی مغایب بذر Secondary seed coat colour	ردی غالب بذر Predominant seed coat colour	ردی گوشت Flesh colour	ردی غاب پوست Secondary fruit skin colour	ردی غالب پوست Predominant fruit skin colour	شکل میوه Fruit shape	کسر Pubes	رنگ برگ Leaf color	رنگ برگ Leaf blade	نوع پیچیدگی برگ Leaf blade	عادت رشد Growth habit
Charleston Gray	Black	Brown	Red	-	Pale green	Oblong	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
Crimson sweet	Black	Brown	Red	White	Dark green	Round	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 800	-	Black	Yellow	Pale green	Dark green	Elliptical	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 791	-	Black	Pink	Dark green	Pale green	Elliptical	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 653	-	Black	Mixed	Pale green	Dark green	Round	Monoeious	Present	Intermediate	Intermediate	Runner
TN - 93 - 816	-	Black	Red	Dark green	Pale green	Round	Monoeious	Present	Dark green	Dark green	Runner
TN - 93 - 814	Black	Cream	Red	Dark green	Pale green	Elliptical	Monoeious	Present	Weak	Weak	Runner
TN - 93 - 779	-	Black	Mixed	Dark green	Pale green	Round	Monoeious	Present	Weak	Weak	Runner
TN - 93 - 808	-	Black	Cream	Dark green	Pale green	Broad elliptical	Monoeious	Present	Dark green	Dark green	Runner
TN - 93 - 774	Black	Cream	Red	Mixed	Dark green	Round	Monoeious	Present	Dark green	Dark green	Runner
TN - 93 - 756	-	Black	Mixed	Dark green	Pale green	Elliptical	Monoeious	Present	Medium Green	Medium Green	Runner
TN - 93 - 804	-	Black	Cream	Dark green	Pale green	Round	Monoeious	Present	Medium Green	Medium Green	Runner
TN - 93 - 817	-	Black	Red	-	Dark green	Round	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 678	-	Black	Mixed	Dark green	Pale green	Round	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 809	Black	Cream	Red	Mixed	Dark green	Elliptical	Monoeious	Present	Strong	Strong	Runner
TN - 93 - 758	Black	Cream	Red	Dark green	Pale green	Oblong	Monoeious	Present	Intermediate	Intermediate	Runner
TN - 93 - 806	-	Black	Black	-	Dark green	Round	Monoeious	Present	Weak	Weak	Runner

جدول ۳- تجزیه واریانس صفات مورد بررسی در توده‌های هندوانه
Table 3- ANOVA of 18 watermelon accession characteristics

منابع تغییرات	درجه آزادی	میانگین مربعات Mean of square									
		d.f	طول کوتیلدون	طول میوه (cm)	وزن میوه (kg)	وزن گوشت (kg)	وزن پوست (kg)	ضخامت پوست(cm)	ضخامت گوشت(cm)	عملکرد(kg/h)	طول بذر(mm)
			During cotyledons	During fruit	Fruit weight	Flesh weight	Skin weight	Thickness of pericarp	Flesh thickness	Yield	During seed
بلوک Block	19	0.84**	67**	3.6**	1.5**	0.5*	37.5 ^{ns}	27*	34796849**	14.3**	
رقم cultivar	17	0.87**	47.6**	4.05**	1.72**	0.58*	38.58 ^{ns}	11.64 ^{ns}	23834070**	15.96**	
اشتباه Error	34	0.104	13.68	1.09	0.55	0.27	25.97	11.43	6166595	1.7	
ضریب تغییرات		11.96	12.77	22.04	31.12	22.01	25.38	13.19	14.45	9.49	
C.V											

منابع تغییرات	درجه آزادی	میانگین مربعات Mean of square									
		d.f	عرض بذر	وزن صد بذر Seed weight (g)	ویتامین ث Vitamin C	pH	مواد جامد محلول TSS	EC	کلروفیل Chlorophyll	فتوستز Photosynthesis (μmol/m ² s)	طول گیاه Plant length (m)
			Seed width (mm)	Seed weight (g)	Vitamin C	pH	TSS	EC	Chlorophyll	Photosynthesis (μmol/m ² s)	Plant length (m)
بلوک Block	19	2.6**	55.1**	0.88**	0.12 ^{ns}	3.4**	213389**	153*	6.4 ^{ns}	0.13 ^{ns}	
رقم cultivar	17	2.83**	61.54**	0.84**	0.123 ^{ns}	3.73**	230820**	168.5*	7.17*	0.15 ^{ns}	
اشتباه Error	34	0.64	0.79	0.102	0.113	0.64	69094	78.86	3.57	0.117	
ضریب تغییرات		9.98	5.65	16.93	6.35	11.68	11.11	14.74	24.75	11.53	
C.V											

* و **: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪. غیر معنی دار: ns

* and **: Significant at the 5% and 1% levels of probability, respectively. ns: Non- Significant.

۶۷۸ کرمان، ۶۵۳ آذربایجان شرقی و ۷۵۸ هرمزگان مشاهده شد.

همبستگی فنتوتبی و ژنوتبی

همبستگی ژنتیکی و فنتوتبی در جدول ۵ و ۶ آورده شده است. بر اساس نتایج حاصل از تجزیه همبستگی فنتوتبی (جدول ۵) بین صفات طول بذر و طول کوتیلدون (۰/۸۲۲)، عرض بذر و طول کوتیلدون (۰/۶۹۵)، وزن صد بذر و طول کوتیلدون (۰/۶۶۶)، مواد جامد محلول (۰/۸۱۴)، وزن میوه و طول میوه (۰/۸۴۹)، وزن گوشت و طول میوه (۰/۸۱۰)، وزن پوست و طول میوه (۰/۸۰۶)، میزان عملکرد و طول میوه (۰/۶۴۳)، وزن گوشت و وزن میوه (۰/۹۶۸)، وزن پوست و وزن میوه (۰/۸۹۹)، میزان عملکرد و وزن میوه (۰/۷۵۴)، میزان فتوستز و وزن میوه (۰/۵۶۷).

ژنوتبی کریمسون سویت بیشترین میزان ضخامت گوشت (۲۸/۸۳) سانتی‌متر)، ویتامین ث (۳/۵۳) و مواد جامد محلول (۹/۲۷ درصد) را نشان داد. بیشترین ضخامت پوست (۲۷/۳۳ میلی‌متر) متعلق به توده‌ی ۷۵۸ هرمزگان و بیشترین میزان pH (۵/۶۳) و وزن صد بذر (۲۲/۱ گرم) به ترتیب متعلق به توده‌های ۸۱۷ همدان و ۷۷۴ زنجان بود، در حالی که کمترین میزان ضخامت گوشت (۲۱/۰۳ کیلوگرم)، ویتامین ث (۱/۳۵ میلی‌گرم در ۱۰۰ درصد) و مواد جامد محلول (۵/۱۰ درصد) به ترتیب مربوط به توده‌های ۷۹۱ سمنان، ۸۱۶ گیلان و ۸۰۶ خراسان بود. بر اساس جدول مقایسه میانگین، بیشترین میزان کلروفیل، فتوستز خالص و طول گیاه به ترتیب مربوط به توده‌های آذربایجان شرقی، چارلسون گری و ۸۰۹ اصفهان بود. کمترین میزان کلروفیل، فتوستز خالص و طول گیاه به ترتیب در توده‌های

جدول ۴ - مقایسه میانگین صفات اندازه‌گیری شده در توده‌های هندوانه
Table 4 – Mean comparison of measured traits in watermelon cultivars

توده	طول کوتیلدون	طول میوه	وزن میوه	وزن گوشت	وزن پوست	ضخامت پوست	ضخامت گوشت	عملکرد	طول بذر
Cultivar	During cotyledons (cm)	During fruit (cm)	Fruit weight (Kg)	Flesh weight (Kg)	Skin weight (Kg)	Thickness of pericarp (mm)	Flesh thickness (cm)	Yield Kg/ha)	During seed (mm)
Charleston Gray	2.13 ef	39a	8.03a	4.3a	3.36ab	11.4b	27.5a	24926a	11.63de
Crimson sweet	1.56 f	32.33ab	6.33ab	3.66ab	2.86a	14.66ab	28.83a	21111ab	9.76e
TN - 93 - 800	2.3 cdef	27.33b	3.56b	1.5b	2.06a	17.86ab	24.16a	18037abc	12.53cde
TN - 93 - 791	1.53a	30.66ab	4.7b	2.63ab	2.06a	18.86ab	21.03a	18519abc	19.4a
TN - 93 - 653	3.26 abc	29.33ab	4.20b	1.93b	2.26a	21.2ab	24.16a	15778bc	13.43bcd
TN - 93 - 816	2.26 def	30.66ab	4.23	1.96b	2.43a	20.83ab	24.36a	16926bc	12.43cde
TN - 93 - 814	2.9 abcde	28.66ab	4.93ab	2.1ab	2.83a	18.33ab	26a	19593abc	12.6cde
TN - 93 - 779	2.66 abcde	35ab	6.13ab	3.33ab	3.3a	22.66ab	24.6a	18926abc	13.13cde
TN - 93 - 808	3.33ab	23.66b	4.33b	1.93b	2.4a	19.33ab	28.4a	17148bc	15.23bcd
TN - 93 - 774	2.9 abcde	24b	3.9b	1.83b	2.06a	22ab	24a	13778bc	15.9bcd
TN - 93 - 805	3.4 ab	28.33ab	4.2b	1.96b	2.23a	21.5ab	24.2a	13741bc	17.4ab
TN - 93 - 756	2.43 bcdef	26.33b	4.1b	2.06ab	2.03a	24ab	26.16a	17371abc	13.06cde
TN - 93 - 804	2.7 abcde	25.66b	5ab	2.83ab	2.16a	17.66ab	27.33a	16556bc	12.2de
TN - 93 - 817	3.13 abcd	29ab	4.06b	2.2ab	1.86a	21.33ab	26.8	13444c	15.13bcd
TN - 93 - 678	2.16 def	27b	4b	1.93b	2.06a	18ab	27.66a	16148bc	11.18de
TN - 93 - 809	3.06 abcde	27.33b	4.66b	2.53ab	2.13a	23ab	25.23a	16593bc	14.83bcd
TN - 93 - 758	2.13ef	32.66ab	5.76ab	2.93ab	2.83a	27.33a	26.5a	14963bc	12.73cde
TN - 93 - 806	2.7 abcde	24.33b	3.33b	1.53b	1.80a	21.33ab	24.2a	15741bc	16.36abc

میانگین‌هایی، در هر ستون، که دارای حروف مشترک می‌باشند بر اساس آزمون توکی در سطح احتمال پنج درصد اختلاف معنی داری ندارند.

Means, in each column, followed by similar letter(s) are not significantly different at the 5% probability level- using Tukey's test.

ادامه جدول ۴ - مقایسه میانگین صفات اندازه‌گیری شده در توده‌های هندوانه
Continue Table 4 – Mean comparison of measured traits in watermelon cultivars

توده	عرض بذر	وزن صد بذر	ویتامین ث	pH	مواد جامد محلول	EC (میکرو زیمنس)	میزان کلروفیل (Chlorophyll %)	فتوسنتز خالص (Photosynthesis $\mu\text{mol}/\text{m}^2\text{s}$)	طول گیاه (Plant length (m))
Cultivar	Seed width (mm)	Seed weight (g)	Vitamin C		TSS (%)				
Charleston Gray	7.5ab	12.46hgj	1.966bc	4.78a	8.03ab	1896c	52.72ab	10.74a	3.08a
Crimson sweet	5.1c	4.58j	3.533a	5.28a	9.27a	2017bc	61.57ab	10.75a	3.05a
TN - 93 - 800	8.4ab	17.76dc	2.066bc	5.28a	7.83abc	2366.7abc	75.18a	7.27a	2.83a
TN - 93 - 791	9.9ab	19.72abc	2.303bc	5.3a	5.62bcde	2956.7a	63.8ab	8.29a	2.80a
TN - 93 - 653	8.2ab	15.38def	2.120bc	5.17a	6bcde	2821.7ab	49.76ab	5.4a	3.19a
TN - 93 - 816	7.8ab	12.42hgi	1.35c	5.24a	7.46abcde	2352.7abc	57.1ab	7.78a	2.45a
TN - 93 - 814	7.2bc	14.07efg	1.766bc	5.34a	6.69bcde	2286.7abc	62.03ab	8.63a	2.96a
TN - 93 - 779	8ab	10.5i	1.396bc	5.07a	6.26bcde	2277abc	59ab	7.3a	3.14a
TN - 93 - 808	8.4ab	20.88ab	1.760bc	5.4a	6.84abcde	2292.3abc	51.29ab	6.53a	2.89a
TN - 93 - 774	8.1ab	22.1a	1.4bc	5.1a	7.2abcde	2105.3bc	64.23ab	6.38a	3.09a
TN - 93 - 805	8.5ab	19.76abc	2.346b	5.35a	5.47cde	2277.3abc	62.33ab	5.49a	3.25a
TN - 93 - 756	7.9ab	13.31fgh	1.77bc	5.48a	7.23abcde	2580abc	66.46ab	7.39a	2.99a
TN - 93 - 804	7.3bc	11.29hi	2.35b	5.32a	7.4abcde	2283.3abc	66.96ab	7.95a	2.72a
TN - 93 - 817	8.5ab	17.04cde	1.433bc	5.63a	6.56bcde	2192.3abc	69.66ab	5.75a	2.98a
TN - 93 - 678	7.3bc	13.83fgh	1.616bc	5.63a	7.6abcd	2773.3ab	46.28b	8.42a	2.68a
TN - 93 - 809	8.5ab	20.56ab	1.666bc	5.44a	5.21de	2304abc	53.57ab	7.15a	3.30a
TN - 93 - 758	8.5ab	19.03bc	1.85bc	5.42a	7.89abc	2225abc	57.66ab	7.01a	2.74a
TN - 93 - 806	8.9ab	18.16bc	1.396bc	5.18a	5.1e	2568.3abc	64.42ab	9.17a	3.15a

میانگین‌هایی، در هر ستون، که دارای حروف مشترک می‌باشند بر اساس آزمون توکی در سطح احتمال پنج درصد اختلاف معنی داری ندارند.

Means, in each column, followed by similar letter(s) are not significantly different at the 5% probability level- using Tukey's test.

همبستگی‌های فنوتیپی، بین صفات طول بذر و وزن صد بذر مشاهده شد. جای که همبستگی فنوتیپی (جدول ۵) بین آن‌ها در سطح احتمال ۱ درصد معنی دار بود (0.0708) اما برآورد همبستگی ژنتیکی (جدول ۶)، وجود ارتباط بین آن‌ها را رد نمود.

توارث پذیری

بر اساس نتایج حاصل از توارث پذیری (جدول ۷)، در صفات طول کوتیلدون، طول میوه، وزن گوشت، وزن پوست، ضخامت پوست، ضخامت گوشت، عملکرد، طول بذر، عرض بذر، وزن صد بذر، pH، درصد مواد جامد محلول، ویتامین‌ث، EC، میزان کلروفیل، فتوسنتز خالص و طول گیاه ضریب تنوع ژنتیکی از ضریب تنوع ژنتیکی بیشتر بود که نشان دهنده تأثیر عوامل محیطی بر صفات مورد بررسی بود. نسبت تنوع ژنتیکی به محیطی در همه صفات به جز صفت وزن صد بذر پایین بود. از ضرائب تنوع ژنتیکی، محیطی و فنوتیپی (جدول ۷) برای تعیین وجود یا عدم وجود تنوع استفاده می‌شود. مقایسه این ضرائب تأثیر عوامل محیطی را بر روی صفت مورد نظر نشان می‌دهد (0.10). هر چقدر اختلاف مقدار ضریب تغییرات ژنتیکی از ضریب تغییرات فنوتیپی کمتر باشد، نشان می‌دهد که اثر محیط بر روی ویژگی کم است و لذا انتخاب برای اصلاح چنین ویژگی مناسب است و هر چقدر ضریب تغییرات فنوتیپی بزرگ‌تر از ضریب تغییرات ژنتیکی باشد، نشان دهنده تأثیر کم ژنتیپ نسبت به اثرات محیط در تنوع مشاهده شده است. هر چه نسبت تنوع ژنتیکی به محیطی زیاد باشد، بازده انتخاب بیشتر بوده و بهتر می‌توان ژنتیپ‌های مطلوب را از نامطلوب انتخاب کرد (0.10). مطابق با نظریه استنسفیلد (0.17) چنانچه توارث پذیری صفتی بیشتر از 0.5 باشد، صفت دارای توارث پذیری بالا، چنانچه توارث پذیری عمومی صفتی توارث پذیری صفت مورد نظر کمتر از 0.2 باشد، صفت دارای توارث پذیری پایین می‌باشد (0.13). طبق این نظریه صفات طول کوتیلدون، طول بذر، عرض بذر، وزن صد بذر و درصد مواد جامد محلول، ویتامین‌ث دارای توارث پذیری بالا و صفات طول میوه، وزن میوه، وزن گوشت، وزن پوست، عملکرد، EC، میزان کلروفیل و فتوسنتز خالص دارای توارث پذیری متوسط و صفات ضخامت پوست، ضخامت گوشت، pH و طول گیاه دارای توارث پذیری پایین بودند. میزان بازده ژنتیکی اندازه‌گیری شده با شدت انتخاب 0.5 و 0.10 درصد نشان می‌دهد که عملکرد و میزان EC بیشترین بازده ژنتیکی را داشته و صفات وزن گوشت، ضخامت گوشت، pH و طول گیاه کمترین بازده ژنتیکی را دارند.

وزن پوست و وزن گوشت میوه (0.780)، میزان عملکرد و وزن گوشت (0.694)، میزان فتوسنتز و وزن گوشت (0.571)، عرض بذر و ضخامت پوست (0.478)، مواد جامد محلول و ضخامت گوشت (0.614)، عرض بذر و طول بذر (0.823)، میزان فتوسنتز و عملکرد (0.792)، وزن صد بذر و طول بذر (0.708) و وزن صد بذر و عرض بذر (0.804) همبستگی مثبت و معنی‌داری مشاهده شد. بر اساس جدول همبستگی فنوتیپی، بیشترین همبستگی مثبت و معنی‌دار بین صفات وزن گوشت و وزن میوه (0.968) و کمترین همبستگی منفی و معنی‌دار بین صفات مواد جامد محلول و طول بذر (-0.815) مشاهده شد. بر اساس نتایج حاصل از تجزیه همبستگی ژنتیکی (جدول ۶)، بین صفت طول میوه با صفات وزن میوه (0.987)، وزن گوشت (0.950)، وزن پوست (0.881)، عملکرد (0.821) و میزان فتوسنتز (0.786) همبستگی مثبت و معنی‌داری در سطح احتمال ۱ درصد مشاهده شد. همچنین بین صفات وزن میوه با صفات وزن گوشت (0.965)، وزن پوست (0.823)، ضخامت گوشت (0.982)، عملکرد (0.903) و میزان فتوسنتز (0.794) همبستگی مثبت و معنی‌داری وجود داشت. بیشترین همبستگی ژنتیکی بین صفات طول میوه و وزن میوه (0.987) و بیشترین همبستگی ژنتیکی منفی بین صفات ضخامت گوشت و میزان فتوسنتز (-0.990) مشاهده گردید.

در 73 مورد قدر مطلق ارزش همبستگی ژنتیکی محاسبه شده بزرگ‌تر از همبستگی فنوتیپی مربوطه بود و در 82 مورد نیز مقدار همبستگی ژنتیکی از همبستگی فنوتیپی مربوطه کوچک‌تر بود. ساراوگی و همکاران (1997) علت مشاهده چنین تناقضی را به اثرات محیطی نسبت می‌دهند (0.20). همبستگی فنوتیپی بین صفات مواد جامد محلول و وزن میوه (0.435) معنی‌دار نبود در حالی که همبستگی ژنتیکی بین آن‌ها در سطح آماری 5 درصد معنی‌دار بود (0.575). روند مشابهی نیز در مورد همبستگی صفات طول کوتیلدون و طول میوه (0.391 ؛ $r_p = -0.547^*$ ؛ $r_g = -0.572^*$) و طول کوتیلدون و وزن گوشت (0.41 ؛ $r_p = -0.610^*$ ؛ $r_g = -0.280$) مشاهده شد. دلیل چنین نتایج اثرات محیطی است، که سبب می‌شود همبستگی‌های فنوتیپی با اریب برآورد گردد. در مقابل همبستگی فنوتیپی بین صفات طول بذر و وزن صد بذر (0.708) در سطح احتمال ۱ درصد معنی‌دار بود (جدول ۵) اما برآورد همبستگی ژنتیکی (جدول ۶)، وجود ارتباط بین آن‌ها را رد نمود. می‌توان چنین پنداشت که در موارد فوق، به لحاظ آماری، اشتباه نوع II اتفاق افتاده است (پذیرفتن فرض صفر غلط). این نتایج اهمیت محاسبه همبستگی ژنتیکی و عدم اکتفا به همبستگی فنوتیپی را آشکار می‌سازد. نوع دیگری از اشتباه آماری (اشتباه نوع I یا رد کردن فرض صفر صحیح) در برآورد

جدول ۵ - همبستگی رتبه‌ای بین صفات ترکیبی هندوانه

Table 5 - Genetical correlations between watermelon accession characteristics

صفت	During fruit	During seed	Plant length	Photosynthesis	Chlorophyll	During cotyledons	During cotyledons	Seed width	Seed width	Seed weight	Seed weight	Seed length	
Fruit weight	1 0.987**	1											
Flesh weight	0.950** 0.965**	1											
Skin weight	0.881** 0.823**	0.964** 1											
Thickness of pericarp	-0.144 -0.988**	-0.771** -0.670**	1										
Flesh thickness	0.218 0.982**	0.874** 0.767**	0.330 1										
Yield	0.821** 0.903**	0.882** 0.607*	0.299 0.929**	-0.916** 0.610*	0.963** 0.456	1 1							
Vitamin C	0.204 Ph	0.464 -0.558*	0.607* -0.252	0.299 -0.790**	-0.929** 0.748**	0.610* 0.777**	0.456	1 1					
TSS	0.437 Ec	0.575* -0.398	0.584* -0.662**	0.628* -0.571*	-0.720** -0.878**	0.917** 0.375	-0.348 -0.378	-0.196 -0.140	0.440 0.555*	-0.377 0.054	1 1		
Chlorophyll	-0.125 During cotyledons	-0.572* -0.547*	-0.473 -0.614*	-0.789* -0.610*	-0.088 -0.502*	-0.297 -0.852**	-0.288 -0.628*	0.140 0.140	-0.967** -0.492	-0.372 -0.062	1 1		
Photosynthesis	0.786** 0.794**	0.679** 0.679**	0.888** 0.690**	-0.990** 0.679**	0.967** 0.530*	0.916* -0.249	-0.563* 0.866*	0.763** 0.950**	0.147 0.607*	-0.994** 0.276	1 1		
Plant length	-0.195 During seed	-0.088 -0.415	0.058 -0.526*	-0.323 -0.474	-0.344 -0.729**	0.680*** 0.589*	-0.168 -0.503*	0.231 -0.249	-0.706** 0.866*	-0.976** -0.950**	-0.222 0.268	0.010 0.837**	1 1
Seed width	-0.350 -0.600*	-0.593* -0.585*	-0.624* -0.642*	-0.749** -0.821**	-0.988** -0.942**	0.081 -0.488	-0.574* -0.667*	-0.669** 0.765**	-0.872** -0.488	0.994** 0.655**	0.268 0.276	-0.578* 0.946**	0.898** 0.011
Seed weight	-0.600*	-0.585*	-0.658**	-0.642*	-0.821**	-0.942**	-0.667*	-0.488	0.765**	-0.633*	0.260	0.09	-0.843** -0.869**

* and **: Significant at the 5% and 1% levels of probability, respectively

و: ترتیب معمدی در سی اجسام ۵ درصد، ۱ درصد

جدول ۶ - همبستگی فنوتیپی بین صفات توده‌های هندوانه
Table 6 - Phenotypical correlations between watermelon accessions characteristics

* and **: Significant at the 5% and 1% levels of probability, respectively
و به مرتبه معنی دار نسخ احتمال های درصدی ۱-درصد.

جدول ۷- مقدار توارث پذیری عمومی، ضریب تغییرات فنتیپی، ضریب تغییرات محیطی و سود ژنتیکی در صفات مورد بررسی توده‌های هندوانه

Table 7- General heritability, coefficients of phenotypic, genotypic and environmental variations and genetic profits of watermelon accession characteristics

صفت		V _G	V _E	V _{ph}	h ²	CV _G	CV _E	CV _{ph}	CV _G /CV _E	G _A (K=2%)	G _A (K=5%)	G _A (K=10%)
طول کوتیلدون	During cotyledons	0.255	0.104	0.359	0.711	18.71	11.94	22.2	1.56	1.03	0.87	0.75
طول میوه	During fruit	11.3	13.68	24.98	0.45	11.44	12.69	17.08	0.901	5.351	4.555	3.892
وزن میوه	Fruit weight	0.986	1.09	2.07	0.47	20.89	22.04	30.37	0.947	1.652	1.406	1.201
وزن گوشت	Flesh weight	0.39	0.55	0.94	0.41	26.02	30.90	40.40	0.842	0.973	0.829	0.708
وزن پوست	Skin weight	0.103	0.27	0.373	0.28	136.04	219.9	258.58	0.618	4.093	3.484	2.976
ضخامت پوست	Thickness of pericarp	4.20	25.97	30.17	0.13	10.21	1.85	27.36	0.402	1.85	1.57	1.34
ضخامت گوشت	Flesh thickness	0.07	11.4	11.5	0.006	1.03	0.05	13.23	0.078	0.05	0.043	0.036
عملکرد	Yield	5889158	6166595	12055753	0.48	14.12	4104	20.2	0.977	4104	3494	2985
طول بذر	During seed	4.75	1.7	6.45	0.74	15.85	9.49	18.48	1.669	4.527	3.853	3.292
عرض بذر	Seed width	0.73	0.64	1.37	0.53	10.64	9.99	14.60	1.065	1.508	1.283	1.096
وزن صد بذر	Seed weight	20.25	0.79	21.04	0.96	28.57	5.66	29.12	5.047	10.682	9.093	7.769
ویتامین C	Vitamin C	0.246	0.102	0.348	0.70	26.18	16.86	31.1	1.55	1	0.859	0.724
pH مواد		0.003	0.113	0.116	0.03	1.03	6.34	6.42	0.162	0.021	0.0118	0.016
جامد محلول	TSS	1.03	0.64	1.67	0.62	14.77	11.68	18.83	1.264	1.927	1.640	1.401
EC		53908	69094	123002	0.43	9.81	11.11	14.82	0.883	371	316	270
میزان کلروفیل	Chlorophyll	29.88	78.86	108	0.27	9.07	14.74	17.31	0.616	6.93	5.90	5.04
فتوسنتز خالص	Photosynthesis	1.2	3.57	4.77	0.25	14.31	24.68	28.5	0.58	1.33	1.13	0.967
طول گیاه	Plant length	0.011	0.117	0.128	0.08	3.54	11.55	12	0.307	0.07	0.063	0.054

آذربایجان شرقی، ۸۰۸ اصفهان، ۸۱۷ همدان، ۷۷۴ زنجان، ۸۰۶ خراسان، ۷۹۱ سمنان در گروه اول، توده‌های ۷۷۹ کرمان، ۷۵۸ هرمزگان، ۸۱۶ گیلان، ۶۷۸ کرمان، ۸۱۴ آذربایجان شرقی، ۸۰۴ کرمانشاه، ۸۰۰ آذربایجان شرقی و ۷۵۶ بوشهر در گروه دوم و ژنتیپ‌های چارلسون گری و کریمسون سویت در گروه سوم قرار گرفتند. ضریب کوفتیک برای روش وارد، $*0.848^{**}$ برآورد شد که در سطح آماری ۱ درصد معنی‌دار می‌باشد. این نتیجه نشان داد که دندروگرام به دست آمده از روش وارد تصویر قابل قبولی از فواصل حقیقی موجود بین ژنتیپ‌ها ارائه می‌دهد. با توجه به این که افراد هر گروه دارای کمترین فاصله ژنتیکی می‌باشند، بنابراین در برنامه‌های

تجزیه خوشهای

حقیقین جهت انتخاب بهترین والدین در هر تلاقی در پی ارقام یا ژنتیپ‌هایی هستند که از هم دور باشند که این امر می‌تواند از طریق بررسی فاصله بین ژنتیپ‌ها بر اساس صفات مورفوژوئیک با استفاده از روش تجزیه خوشهای بدست آید. مکس کولینک (۱۱) نشان داد که صفات مورفوژوئیکی برای تشخیص ژنتیپ‌های هندوانه مناسب می‌باشد و تجزیه آن‌ها روش مطمئنی برای تشخیص الگوی تنوع در بین مواد ژنتیکی هندوانه است. نتایج حاصل از تجزیه خوشهای در شکل ۱ نشان داده شده است. براساس نتایج تجزیه خوشهای (شکل ۱) توده‌های ۸۰۵ خراسان، ۸۰۹ اصفهان، ۶۵۳

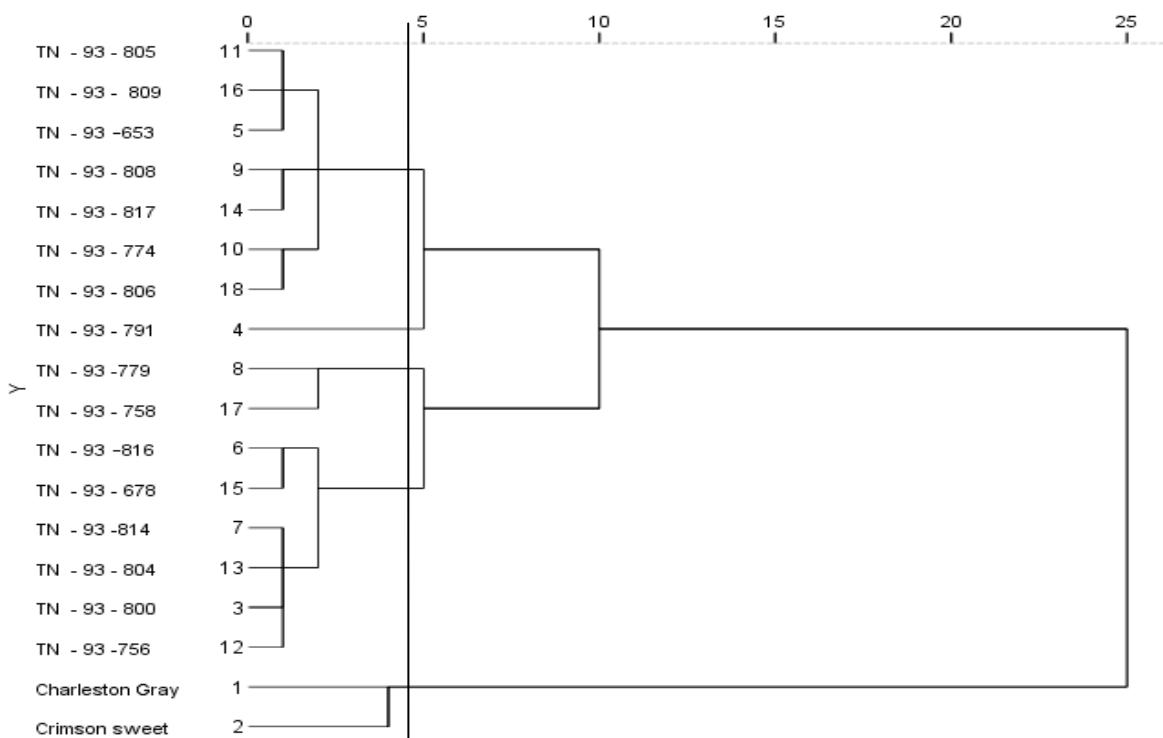
بیشترین وزن بذر را نسبت به سایر گروه‌ها داشت که می‌توان در جهت اصلاح ارقام آجیلی که اندازه و وزن بذر مدنظر است استفاده نمود و بدین ترتیب سبب افزایش میزان عملکرد شد. بر اساس جدول فواصل گروه‌ها (جدول ۸)، بیشترین میزان فاصله بین دو گروه ۱ و ۳ (۸/۹۸۵) مشاهده شد. این نتیجه نشان داد که بیشترین هتروزیس موردن انتظار، می‌تواند از تلاقی بین ژنوتیپ‌های گروه ۱ با گروه ۳ به دست بیاید. با توجه به اینکه فاصله گروه ۳ (کریمسون سویت و چارلس‌تون گری) از سایر گروه‌ها نسبت به دیگر فاصله‌های متناظر بیشتر است، می‌توان ارقام گروه ۳ رابه عنوان یکی از والدین سودمند در تلاقی با ارقام بومی ایران که ممکن است منجر به نوثرکیسی‌های جدید و مطلوب ژنی گرددن معرفی کرد.

اصلاحی جهت رسیدن به حداکثر هتروزیس می‌باشد افراد واقع در گروه‌های مختلف را جهت تلاقی انتخاب نمود. تلاقی بین افراد با روابط ژنتیکی دورتر، از قدرت هیبرید بالاتری نسبت به افراد با روابط ژنتیکی کمتر برخوردارند. در گروه سوم ژنوتیپ کریمسون سویت کمترین طول بذر، وزن بذر و طول کوتیلدون را نسبت ژنوتیپ‌های سایر گروه‌ها داشت و ژنوتیپ چارلس‌تون گری کمترین میزان EC و ضخامت پوست، و بیشترین میزان مواد جامد محلول، طول میوه، وزن میوه، وزن گوشت و عملکرد را داشت که می‌توانند در اصلاح ارقام بومی به منظور افزایش میزان عملکرد، افزایش میزان مواد جامد محلول مورد استفاده قرار بگیرند. در گروه یک توده‌ی ۷۹۱ سمنان بیشترین طول کوتیلدون، طول بذر، عرض بذر و توده‌ی ۷۷۴ زنجان

جدول ۸ - فواصل خوش‌های صفات هندوانه

Table 8 - Cluster distances of watermelon accession characteristics

	دسته ۱	دسته ۲	دسته ۳
	Cluster 1	Cluster 2	Cluster 3
دسته ۱	1		
Cluster 1			
دسته ۲	6.753	1	
Cluster 2			
دسته ۳	8.985	3.276	1
Cluster 3			



شکل ۱ - دندروگرام گروه‌بندی توده‌های بومی هندوانه بر اساس داده‌های مورفولوژی و فیزیولوژی با استفاده از روش وارد
Figure 1- The cluster grouping based on morphologicaly and physiological datay of native watermelon accessions using WARD

سپاسگزاری

قدرتانی می‌شود.

از مساعدت‌های موسسه بانک ژن گیاهی ایران به جهت در اختیار
قرار دادن بذور توده‌های هندوانه بومی ایران جهت اجرای طرح

منابع

- 1- Brown, W.L. 1983. Genetic diversity and genetic vulnerability – an appraisal. *Econ. Bot.* 37(1): 4–12.
- 2- Badenez, M.L., Martinez-Calvo, J., and Lacer, G. 1998. Analysis of apricot germplasm from the European ecogeographical group. *Euphytica*. 102: 93-99.
- 3- Bisognin, D.A. 2002. Origin and Evolution of Cultivated Cucurbits. *Ciência Rural. Santa Maria*. 32(5). 715-723.
- 4- Daneshvar M.H. 2012. Vegetables Growing. 6th ed. Shahid Chamran University press. 461. (in Persian)
- 5- Farshadfar E. 1998. Application of Biometrical genetics in plant Breeding. Razi University Press, 528. (in Persian)
- 6- Farsi M., and Bagheri, A.R. 2004. Essentials of Plant Breeding. Jihad Mashhad University Press, 375. (in Persian)
- 7- Farahani, A., and Arzani, A. 2006. Reviews of Genetic diversity in the Cultivars and F1 hybrids of durum wheat using Agronomic and Morphological traits. *Science and Technology of Agriculture and Natural Resources*, Year ten, volume. 4 (b). (in Persian)
- 8- Huhl Y.C., Solmaz, N., and Iand, S. 2008. Morphological characterization of Korean and Turkish watermelon germplasm. *Cucurbitaceae*. In: Proceedings of the IXth EUCARPIA meeting on genetics andbreeding of Cucurbitaceae (Pitrat M, ed). INRA. Avignon (France). 327-334.
- 9- Kannenberg, L.W., and Falk D.E. 1995. Models for activation of plant genetic resources for crop breeding programs. *Can. J of Pl. Sci.*75(1): 45–53.
- 10- Kiani, M.R., and Jahanbin, G.h. 2006. Investigate the Genetic diversity of indigenous Melon Iranian masses. *Journal of Iranian Field Crop Research*, (2): 17-1. (in Persian)
- 11- Magss-Kolling, G.L. 2003. Variability in Namibian Landraces of Watermelon (*Citrullus Lanatus*). *Euphytica*. 132(3):251-258.
- 12- Nevo, E., Noy-Meir, I., Beiles, A., Krugman, T., and Agami, M. 1991. Natural selection of allozyme polymorphisms: Micro-geographical spatial and temporal ecological differentiation in wild emmer wheat. *Israel J. Bot.* 40: 419–449.
- 13- Narouei rad, M., Alah dou, M., Ghassemi, A., and Fanaei H.R. 2009. Investigate genetic variation and heritability of general local population in Sistan Watermelon. *Iranian Journal of Horticultural Science*, 4: 103-95. (in Persian)
- 14- Peyvast G.h. 2009. Vegetables. 5nd ed. Published Danshpzyr. Tehran, 577 pages. (in Persian)
- 15- Robinson R.W., and Decker-Walters D.S. 1997. Cucurbits. Cab International. Wallingford.
- 16- Romao and Roberto, L. 2000. Northeast Brazil: A Secondry Center of Diversity for Watermelon (*Citrullus Lanatus*). *Genetic Resource and Crop Evaluation*. 47(2):207-213.
- 17- Stansfield, W.D. 1991. *Theory and Problems in Genetics*. McGraw-Hill.
- 18- Sarawgi, A.K, Rastogi N.K., and Soni, D. S. 1997. Correlation and path analysis in rice associations from Madhya Pradesh. *Field Crops Research*.52: 161- 167.
- 19- Shekari, F., Massiha, S., and Esmailpoor, B. 2006. *The Physiology of Vegetable Crops*. Compilation, Wien, H. C. Zanjan University Press, 394. (in Persian)
- 20- Szamosi, C., Solmaz, I., Sari, N., and Barsony, C. 2009. Morphogical characterization of Hungarian and Turkish watermelon (*Citrullus lanatus* (Thunb.) Matsum. et Nakai) genetic resources. *Genet Resour Crop Evol.* 56:1091–1105.
- 21- Wehner, T.C. 2000. Watermelon Crop Information Department Of Horticulture Science. North Carolina State University.
- 22- Zamani, Z.A. 1990. Reviews the main properties of pomegranate and Central Branch. Master's thesis, Tehran University. (in Persian)